

Pieczętka jednostki zlecającej

Lekarz zlecający badanie:

Data wystawienia skierowania

**Skierowanie na badanie molekularne do Laboratorium Hematologii,  
Uniwersyteckie Centrum Kliniczne; 80-214 Gdańsk, ul. Smoluchowskiego 17, tel. 58 584 43 99**

Nazwisko i imię pacjenta:	Nr badania (wypełnia laboratorium):	MPK (dot. jednostek UCK): □ □ □ □ □ □ □ □ □ □
PESEL:		
Podjęcie/rozpoznanie i etap leczenia:	Przyjmowane leki:	Materiał:

**DIAGNOSTYKA MOLEKULARNA**

**Wirusologia molekularna – Real-Time PCR**

<input type="checkbox"/> <b>CMV DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA), 6 ml	<input type="checkbox"/> <b>HIV-1 RNA</b> , ilościowo – krew (EDTA) 6 ml	<input type="checkbox"/> <b>HSV-1/2 DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA), PMR
<input type="checkbox"/> <b>mCMV DNA</b> , ilościowo – mocz, inne	<input type="checkbox"/> <b>HPV HR DNA wysokiego ryzyka 24 typy</b> z typowaniem HPV 16, 18, 45, jakościowo - wymaz z szyjki macicy, pochwy, cewki moczowej, gardła, inny, w podłożu transportowym UTM lub podłożu do cytologii cienkowarstwowej	<input type="checkbox"/> <b>Polyoma BK/JC DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA)
<input type="checkbox"/> <b>EBV DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA), PMR, in.		<input type="checkbox"/> <b>mPolyoma BK/JC DNA</b> , ilościowo - mocz poranny, in
<input type="checkbox"/> <b>HBV DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA), 6 ml		<input type="checkbox"/> <b>Parvovirus B19 DNA</b> , ilościowo – krew (EDTA)
<input type="checkbox"/> <b>HCV RNA</b> , ilościowo – krew (EDTA), 6 ml	<input type="checkbox"/> <b>HPV LR DNA niskiego ryzyka 6/11</b> , Jakościowo – materiał: patrz HPV HR	<input type="checkbox"/> <b>VZV DNA</b> , ilościowo - krew (EDTA), PMR, inne
<input type="checkbox"/> <b>HCV RNA</b> , jakościowo – krew (EDTA), 6ml		<input type="checkbox"/> <b>Panel HSV-1/2, VZV DNA</b> , jakościowo - krew (EDTA), wymaz z pęcherzyków

**Bakterie, grzyby i pierwotniaki – Real-Time PCR**

<input type="checkbox"/> <b>Borrelia sp. DNA</b> jakościowo, 16 gat. krętków - krew/EDTA, PMR, mocz, inne	<input type="checkbox"/> <b>Mycobacterium tuberculosis DNA</b> , z opornością na Rifampicyne, półilościowo - płwocina, BAL, inne	<input type="checkbox"/> <b>Pneumocystis jirovecii DNA</b> , jakościowo - płwocina, BAL, wymaz (3 suche, wymazówki), inne
<input type="checkbox"/> <b>Chlamydia trachomatis DNA</b> , jakościowo - materiał: patrz panele badań, płciowe	<input type="checkbox"/> <b>Mycoplasma pneumoniae DNA</b> , jakościowo - płwocina, BAL, wymaz (patrz Pneumocystis)	<input type="checkbox"/> <b>Toxoplasma gondii DNA</b> , jakościowo - krew/EDTA, płyn owodniowy (stabilność 4 h, temp 4°C), inne
<input type="checkbox"/> <b>Chlamydia pneumoniae DNA</b> , jakościowo - płwocina, BAL, wymaz (patrz Pneumocystis)	<input type="checkbox"/> <b>Neisseria gonorrhoeae DNA</b> , jakościowo – materiał patrz panele badań, płciowe	<input type="checkbox"/> <b>Candida sp. DNA multiplex</b> , ilościowo, typowanie: C. albicans, C. glabrata, C. krusei, C. parapsilosis/tropicalis) - wymaz (błona śluzowa dróg moczowo-płciowych, odbytu, inne), mocz
<input type="checkbox"/> <b>Legionella pneumophila DNA</b> , jakościowo - płwocina, BAL, wymaz (patrz Pneumocystis)	<input type="checkbox"/> <b>Aspergillus DNA</b> , ilościowo - BAL, BA, inne	

**Panele badań – multiplex Real-Time PCR**

<b>Zakażenia górnych dróg oddechowych</b> , jakościowo płwocina, BAL, wymaz - warunkowo, po uzgodnieniu z pracownią, inne	<b>Neuroinfekcje - wirusowe zapalenia opon mózgowo – rdzeniowych</b> , jakościowo - krew (EDTA), PMR, inne
<input type="checkbox"/> <b>Atypowe zapalenia płuc (3):</b> <i>Chlamydia pneumoniae, Mycoplasma pneumoniae, Legionella pneumophila DNA</i>	<input type="checkbox"/> <b>Enterowirusy RNA CITO</b> , jakościowo: (Enterovirus, Coxsackievirus, Echovirus, Poliovirus - bez typowania)
<input type="checkbox"/> <b>Pneumopanel 1</b> bakteryjny (8): <i>Chlamydia pneumoniae, Haemophilus influenzae, Legionella pneumophila/ longbeachae, Moraxella catarrhalis, Mycoplasma pneumoniae, Staphylococcus aureus, Streptococcus pneumoniae DNA</i>	<input type="checkbox"/> <b>Neuropanel 1</b> , jakościowo: Adenovirus, CMV, EBV, HSV-1, HSV-2, VZV DNA
<input type="checkbox"/> <b>Pneumopanel 2</b> wirusowy + M. pneumoniae (21): Enterovirus, Adenovirus, Bocavirus, Coronavirus: 229E, HKU1, NL63, OC43; Metapneumovirus A/B, Parainfluenza 1-4, Parechovirus, RSV A/B, Rhinovirus, Influenza A, Influenza A(H1N1), Influenza B; <i>Mycoplasma pneumoniae DNA/RNA</i>	<input type="checkbox"/> <b>Neuropanel 2</b> , jakościowo: Enterowirusy, Parechovirus, Parvovirus B19, HHV-6, HHV-7 DNA/RNA
	<input type="checkbox"/> <b>Neuropanel kompleks</b> - neuropanel 1 + 2, jakościowo
<input type="checkbox"/> <b>Pneumopanel 3</b> bakteryjny i wirusowy + Pneumocystis jirovecii (33): Enterovirus, Adenovirus, Bocavirus, Coronavirus 229E, HKU1, NL63, OC43; Metapneumovirus A/B, Parainfluenza 1-4, Parechovirus, RSV A/B, Rhinovirus, Influenza A, Influenza A(H1N1), Influenza B; <i>Chlamydia pneumoniae, Haemophilus influenzae, Haemophilus influenzae B, Legionella pneumophila/ longbeachae, Moraxella catarrhalis, Mycoplasma pneumoniae, Staphylococcus aureus, Streptococcus pneumoniae, Bordetella, Klebsiella pneumoniae, Salmonella; Pneumocystis jirovecii DNA/RNA</i>	<b>Zakażenia układu moczowo - płciowego</b> , jakościowo - wymaz z szyjki macicy, pochwy, cewki moczowej, inny; mocz
	<input type="checkbox"/> <b>Chlamydia trachomatis, Neisseria gonorrhoeae DNA, CITO</b>
	<input type="checkbox"/> <b>Płciowe 1: Chlamydia trachomatis, Neisseria gonorrhoeae, Mycoplasma genitalium DNA</b>
	<input type="checkbox"/> <b>Płciowe 2: Ureaplasma urealyticum, Ureaplasma parvum, Trichomonas vaginalis, Gardnerella vaginalis, HSV-1/ HSV-2 DNA</b>
<input type="checkbox"/> <b>Płciowe kompleks: Płciowe 1 + Płciowe 2</b>	
<b>Zakażenia układu pokarmowego</b> , jakościowo – kał	
<input type="checkbox"/> <b>Gastropanel wirusowy (6):</b> Adenovirus, Astrovirus, Norovirus G1 i G2, Rotavirus, Sapovirus. DNA/RNA	<input type="checkbox"/> <b>Gastropanel bakteryjny (6):</b> <i>Campylobacter coli/ jejuni/ lari, Clostridium difficile, Shigella, E. coli enterohemorrhagic vtx (+), Salmonella, Yersinia enterocolitica DNA</i>
<input type="checkbox"/> <b>Gastropanel pasożyty (3):</b> Cryptosporidium, Entamoeba histolytica, Giardia lamblia DNA	

**GENETYKA MOLEKULARNA**

<input type="checkbox"/> <b>Mutacja Leiden</b> – krew (EDTA)	<input type="checkbox"/> <b>Mutacja C677T w genie MTHFR</b> – krew (EDTA)
<input type="checkbox"/> <b>Mutacja G20210A w genie protrombiny</b> – krew (EDTA)	<input type="checkbox"/> <b>Mutacje H63D, S65C, C282Y w genie HFE</b> – krew (EDTA)
<input type="checkbox"/> <b>Mutacja w genie PAI-1 (allele 5G/4G)</b> – krew (EDTA)	<input type="checkbox"/> <b>Mutacje w genie TPMT *1, *2, *3A, *3B, *3C</b> – krew (EDTA) (wymagane jednoczesne zlecenie morfologii, osobna próbówka EDTA)
<input type="checkbox"/> <b>Mutacje C677T, A1298C w genie MTHFR</b> – krew (EDTA)	

Osoba pobierająca materiał:

Data i godzina pobrania:

**Wskazówki dotyczące pobierania i przesyłania materiału do badań molekularnych wykonywanych w  
Laboratorium Hematologii UCK w Gdańsku**

**UWAGA – pacjent NIE MUSI być na czczo w przypadku żadnego z powyższych badań**

<b>Rodzaj materiału, sposób pobierania i objętość</b>	<b>Stabilność i przechowywanie materiału:</b>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Krew pełna (EDTA) w kierunku wirusów: HCV, HBV, HIV-1, CMV – min. 6 ml</li> <li>• Krew pełna (EDTA) na pozostałe badania: 3 - 5 ml</li> <li>• PMR (sucha, jałowa probówka) – min. 2 ml</li> <li>• Mocz poranny, pierwszy strumień, ≤30 ml - nie więcej (jałowy pojemnik, probówka moczowa)</li> <li>• Płyny z jam ciała (jałowy pojemnik) - min. 2 ml</li> <li>• Płyn owodniowy, 1ml</li> <li>• Plwocina (jałowy pojemnik), min. 2 ml (przed pobraniem plwociny należy dwukrotnie przepłukać usta wodą)</li> <li>• BA (jałowy pojemnik), min 2 ml,</li> <li>• BAL (jałowy pojemnik), 10 - 30 ml,</li> <li>• Wymaz w kierunku zakażeń układu moczowo-płciowego - podłoże transportowe UTM lub podłoże do cytologii cienkowarstwowej (HPV)</li> <li>• Wymaz z nosogardzieli, inne wymazy – 3 jałowe, syntetyczne wymazówki lub 1 jałowa szczoteczka, suche lub w podłożu transportowym UTM (tylko po ustaleniu z pracownią, gdy nie można pozyskać BAL, BA, plwociny)</li> <li>• Kał – suchy, jałowy pojemnik</li> <li>• inne – proszę kontaktować się bezpośrednio z pracownią</li> </ul>	<p><b>Krew:</b> 24 h w temp. 2-8°C</p> <p><b>Osocze/surowica:</b> 6 tygodni w temp. -20°C (krew odwirować: 2500 RPM, 10 min)</p> <p><b>Wymazy suche:</b> 24h w temp. 2-8°C</p> <p><b>Wymazy w podłożu transportowym:</b> 4 tygodnie w temp. 2-8°C</p> <p><b>Płyn owodniowy:</b> 4h w temp. 2-8°C &gt;4h w temp. - 20°C</p> <p><b>Pozostałe materiały:</b> 24 h w temp. 2-8°C 6 tygodni w temp. - 20°C</p>
<p><b>UWAGA!!! – gdy zlecane jest więcej niż jedno badanie, proszę o przysyłanie odpowiednio większej ilości materiału</b></p>	<p><b>Krew pełna na badania genetyczne:</b> 3 dni w temp. 2-8°C</p>

**Pobieranie krwi i przyjmowanie materiału:**

**Uniwersyteckie Centrum Kliniczne**  
**Gdańsk, ul. Smoluchowskiego 17**  
**budynek Centrum Medycyny Nieinwazyjnej (poziom 0)**  
pon. – pt.: 6.15 – 14.00  
sob.: 7.30 - 13.00

**Szpital Studencki:**

Gdańsk, Al. Zwycięstwa 30  
pon. - pt.: 6.30 - 11.00

**Kontakt:**

**Pracownia Diagnostyki Molekularnej**  
tel. 58 584 43 99  
e-mail: [miłosz@uck.gda.pl](mailto:miłosz@uck.gda.pl)  
[aszulc@uck.gda.pl](mailto:aszulc@uck.gda.pl)