

# Laboratorium Genetyki Klinicznej

## wykaz badań

obowiązuje od 1 stycznia 2019r.

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
BADANIA PRENATALNE	badania biochemiczne	LGK_1_1_1	[NFZ] beta-HCG	Oznaczenie poziomu wolnej beta-HCG.	Oznaczenie poziomu wolnej beta-HCG w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	79
		LGK_1_1_2	[NFZ] PAPP-A	Oznaczenie poziomu białka PAPP-A.	Oznaczenie poziomu białka PAPP-A w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	95
	badania cytogenetyczne	LGK_1_2_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi płodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	329
		LGK_1_2_2	[NFZ] Kariotyp - amniocyty	Analiza kariotypu amniocytów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> amniocytów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	670
		LGK_1_2_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej lub amniocytów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	470
Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
GENETYKA KONSTYTUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	329
		LGK_2_1_2	[NFZ] Kariotyp - fibroblasty	Analiza kariotypu fibroblastów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> fibroblastów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	690
		LGK_2_1_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej lub fibroblastów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	470

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_2_1	[NFZ] Achondroplazja ( <i>FGFR3</i> )	Achondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku wariantu c.1138G>A (p.Gly380Arg) genu <i>FGFR3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_2	[NFZ] Zespół Angelmana ( <i>MS-MLPA</i> )	Zespół Angelmana (OMIM #105830).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_3	[NFZ] Hipochondroplazja ( <i>FGFR3</i> )	Hipochondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>FGFR3</i> (p.Ile538; p.Asn540; p.Lys650) przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_4	[MZ] Stwardnienie guzowate ( <i>TSC1, TSC2</i> )	Stwardnienie guzowate (OMIM *605284, *191092). program lekowy - Eworolimus	Analiza sekwencji kodującej genów <i>TSC1</i> i <i>TSC2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera wraz z analizą liczby kopii DNA metodą MLPA (P124 i P046, MRC-Holland).	4950
		LGK_2_2_5	[NFZ] Zespół łamiwego chromosomu X (powtórzenia CGG)	Zespół łamiwego chromosomu X (FXS) (OMIM #300624).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmplideX FMR1 PCR, CE-IVD).	695
		LGK_2_2_6	[NFZ] Zespół Leopard ( <i>PTPN11, RAF1</i> )	Zespół Leoparda (OMIM #151100).	Analiza sekwencji eksonów 7, 12 i 13 genu <i>PTPN11</i> oraz eksonów 6, 13 i 16 genu <i>RAF1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
		LGK_2_2_7	[NFZ] Zespół Noonan ( <i>PTPN11</i> )	Zespół Noonana (OMIM *176876).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>PTPN11</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1500
		LGK_2_2_8	[NFZ] Zespół Pradera-Williego ( <i>MS-MLPA</i> )	Zespół Pradera-Williego (OMIM #176270).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_9	[NFZ] Zespół Retta ( <i>MECP2</i> )	Zespół Retta (OMIM *300005).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MECP2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_2_2_10	[NFZ] Zespół Retta, congenital variant ( <i>FOXP1</i> )	Zespół Retta, congenital variant (OMIM *164874).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXP1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
	zaburzenia płodności	LGK_3_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	379
		LGK_3_2_2	[NFZ] Przedwczesne wygasanie czynności jajników (powtórzenia CGG)	Przedwczesne wygasanie czynności jajników (FXPOF) (OMIM #311360).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmplideX FMR1 PCR, CE-IVD).	695
		LGK_3_2_3	[NFZ] Zespół BPES ( <i>FOXL2</i> )	Zespół BPES (OMIM *605597).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXL2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia metabolizmu	LGK_5_1	[NFZ] Amyloidoza transtyretynowa ( <i>TTR</i> )	Amyloidoza transtyretynowa (OMIM *176300).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TTR</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_5_2	[NFZ] Deficyt alfa1-antytrypsyny ( <i>SERPINA1</i> )	Deficyt alfa1-antytrypsyny (OMIM *107400).	Analiza w kierunku wariantów p.Glu366Lys (allel Z) oraz p.Glu288Val (allel S) genu <i>SERPINA1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
		LGK_5_3	[NFZ] Deficyt MCAD ( <i>ACADM</i> )	Deficyt dehydrogenazy acylo-CoA średnołańcuchowych kwasów tłuszczowych - MCAD (OMIM *607008).	Analiza w kierunku wariantu p.Lys304Glu genu <i>ACADM</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_4	[NFZ] Deficyt LCHAD ( <i>HADHA</i> )	Deficyt dehydrogenazy długołańcuchowych kwasów tłuszczowych - LCHAD (OMIM *600890).	Analiza w kierunku wariantu p.Glu510Gln genu <i>HADHA</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_5	[NFZ] Gorączka śródziemnomorska ( <i>MEFV</i> )	Gorączka śródziemnomorska (OMIM *608107).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MEFV</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	nowotwory rodzinne i zespoły związane z nowotworami	LGK_6_1	[NFZ] Zespół Legius ( <i>SPRED1</i> )	Zespół Legiusa (OMIM *609291).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SPRED1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1300
		LGK_6_2	[NFZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika ( <i>BRCA1</i> )	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>BRCA1</i> (c.68_69delAG, c.181T>G, c.3700_3704delGTAAA, c.4035delA, c.5266dupC) w polskiej populacji techniką HRM i weryfikowaną sekwencjonowaniem bezpośrednim metodą Sangera.	320
		LGK_6_3	[MZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (NGS)	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł I)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwiła detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_4	[NFZ] Zespół Li-Fraumeni ( <i>TP53</i> )	Zespół Li-Fraumeni (OMIM *191170).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1250
		LGK_6_5	[MZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika ( <i>CHEK2, PALB2</i> )	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł I)	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>CHEK2</i> oraz <i>PALB2</i> w polskiej populacji techniką HRM i weryfikowaną sekwencjonowaniem bezpośrednim metodą Sangera. Badany region obejmuje trzy wybrane warianty genu <i>CHEK2</i> : c.444+1G>A, c.1100delC, delecję eksonów 9 i 10 (del5395) oraz dwa wybrane warianty genu <i>PALB2</i> : c.172_175delTTGT, c.509_510delGA.	350
		LGK_6_6	[MZ] FAP ( <i>APC, MUTYH</i> )	Zespół gruczolakowatej polipowatości rodzinnej (OMIM #175100, #608456). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>APC</i> i <i>MUTYH</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom) oraz techniką MLPA. Procedura diagnostyczna umożliwiła detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_7	[MZ] HNPCC ( <i>MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, EPCAM</i> )	Dziedziczny rak jelita grubego niezwiązany z polipowatością (HNPCC) (OMIM #609310, #120435, #614350, #614337, #613244). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>MLH1, MSH2, MSH6, PMS2</i> i 3'UTR <i>EPCAM</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom) oraz techniką MLPA. Procedura diagnostyczna umożliwiła detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_8	[MZ] Zespół Peutza Jeghersa ( <i>STK11</i> )	Zespół Peutza Jeghersa (OMIM #175200). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>STK11</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	950

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
GENETYKA KONSTITUCYJNA	nowotwory rodzinne i zespoły związane z nowotworami	LGK_6_9	[MZ] Zespół polipowatości młodzieńczej ( <i>BMPR1A, SMAD4</i> )	Zespół polipowatości młodzieńczej (OMIM #174900). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>BMPR1A, SMAD4</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1850
		LGK_6_10	[MZ] Retinoblastoma ( <i>RB1</i> )	Dziedziczny siatkówczak (OMIM #180200). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł III)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>RB1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera oraz MLPA.	2300
		LGK_6_11	[MZ] Zespół von Hippa-Lindaua ( <i>VHL</i> )	Zespół von Hippa-Lindaua (OMIM #193300). Narodowy Program Zwalczania Chorób Nowotworowych (Moduł III)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>VHL</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera oraz MLPA.	750
	neurogenetyka	LGK_7_1	[NFZ] Dystrofia obręczowo - kończynowa ( <i>CAPN3</i> )	Dystrofia obręczowo - kończynowa, LGMD2A (OMIM *114240).	Analiza m.in. w kierunku wariantu c.550delA (p.Thr184Argfs) genu <i>CAPN3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_7_2	[NFZ] Łagodna płasawica rodzinna ( <i>NKX2-1</i> )	Łagodna płasawica rodzinna (OMIM *600635).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NKX2-1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580
		LGK_7_3	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 4 ( <i>SPAST</i> )	Spastyczna paraplegia typ 4 (OMIM *604277).	Analiza sekwencji eksonów 1, 6-7, 8, 10-12 genu <i>SPAST</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_7_4	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 17 ( <i>BSC12</i> )	Spastyczna paraplegia typ 4 (OMIM *606158).	Analiza sekwencji eksonu 3 genu <i>BSC12</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_7_6	[NFZ] Stwardnienie zanikowe boczne ( <i>SOD1</i> )	Stwardnienie zanikowe boczne (SLA) (OMIM *147450).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SOD1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
		LGK_7_7	[NFZ] Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (powtórzenia CGG)	Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (FXTAS)(OMIM #300623).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliDeX FMR1 PCR, CE-IVD).	695
		LGK_7_8	[NFZ] Zespół CADASIL ( <i>NOTCH3</i> )	Zespół CADASIL (OMIM *600276).	Analiza sekwencji eksonów 2-6 genu <i>NOTCH3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
	kardiologia	LGK_9_1	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna ( <i>LDLR, APOB</i> )	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890).	Analiza dużych rearanżacji techniką MLPA (zestaw P062, MRC-Holland) i analiza sekwencji eksonów 4 i 12 genu <i>LDLR</i> oraz fragmentu eksonu 26 (NM_000384.2: c.10436_10798) genu <i>APOB</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	900
		LGK_9_2	[MZ] Hipercholesterolemia rodzinna (NGS)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Krajowe Centrum Hipercholesterolemii Rodzinnej	Analiza sekwencji kodującej genów <i>LDLR</i> (wraz z dużymi rearanżacjami), <i>PCSK9</i> , <i>APOE</i> oraz fragmentu eksonu 26 genu <i>APOB</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw ADH MASTR, Multiplicom).	2250
		LGK_9_3	[NFZ] Hiperlipidemia typu III ( <i>APOE</i> )	Hiperlipidemia typu III (OMIM *107741).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>APOE</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
GENETYKA KONSTYTUCYJNA	nefrologia	LGK_10_1	[NFZ] Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku ( <i>INF2, LMX1B</i> )	Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku (OMIM #613237).	Analiza sekwencji eksonów 2-4 genu <i>INF2</i> oraz eksonu 4 genu <i>LMX1B</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	790
		LGK_10_2	[NFZ] Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera ( <i>WT1</i> )	Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera (OMIM *607102).	Analiza sekwencji eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
		LGK_10_3	[NFZ] Zespół nerczycowy ( <i>NPHS2, WT1</i> )	Zespół nerczycowy (OMIM #600995, #256370).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NPHS2</i> oraz eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	ortopedia	LGK_11_1	[NFZ] Zespół Hajdu-Cheney ( <i>NOTCH2</i> )	Zespół Hajdu-Cheney (OMIM *600275).	Analiza sekwencji eksonu 34 genu <i>NOTCH2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580
Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
GENETYKA MOLEKULARNA	izolacja kwasów nukleinowych i analiza kosegregacji	LGK_14_1	Izolacja DNA (krew, szpik)	Izolacja gDNA z krwi obwodowej lub szpiku.	Izolacja genomowego DNA z krwi obwodowej lub szpiku.	150
		LGK_14_6	Izolacja DNA (FFPE)	Izolacja gDNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	Izolacja genomowego DNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	150
		LGK_14_7	Izolacja DNA (amniocyty)	Izolacja genomowego gDNA z krwi amniocytów.	Izolacja genomowego DNA z krwi amniocytów.	150
		LGK_14_8	Izolacja ctDNA/cfDNA (krew)	Izolacja ctDNA lub cfDNA z krwi obwodowej.	Izolacja krążącego ctDNA ( <i>cell-free circulating tumor DNA</i> ) lub cfDNA ( <i>cell-free circulating fetus DNA</i> ) z krwi obwodowej.	300
		LGK_14_2	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna (krewni)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Analiza wariantu występującego w rodzinie.	W zależności od rodzaju wariantu badanie wykonywane jest techniką MLPA lub przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	360
		LGK_14_3	[NFZ] Wariant (Sanger)	Analiza wariantu punktowego występującego w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	370
		LGK_14_4	[NFZ] Wariant (MLPA)	Analiza dużej delecji/duplikacji występującej w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu techniki MLPA (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	860
		LGK_14_5	[NFZ] Wariant (po uzgodnieniu)	Analiza sekwencji wybranych <i>loci</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	Badanie wykonywane po uzgodnieniu szczegółów z Laboratorium Genetyki Klinicznej UCK. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	780

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
ONKOGENETYKA	hematologia	LGK_20_1_1	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560
		LGK_20_2_2	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (chimeryzm)	Ocena chimeryzmu poprzaszczepowego metodą FISH.	Analiza obecności sekwencji centromerowych chromosomów X i Y w ocenie chimeryzmu poprzaszczepowego metodą FISH.	520
		LGK_20_2_3	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	495
		LGK_20_2_4	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>IGH/MYC</i> )	Analiza rearanżacji genów <i>IGH/MYC</i> , t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_20_2_5	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC, BCL2, BCL6</i> )	Analiza rearanżacji genów <i>MYC</i> (8q24), <i>BCL2</i> (18q21), <i>BCL6</i> (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
		LGK_20_2_6	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC</i> )	Analiza rearanżacji genu <i>MYC</i> (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_20_3_1	[NFZ] Mastocytoza ( <i>KIT</i> )	Analiza wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> .	Analiza w kierunku wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> metodą RT-PCR.	490
		LGK_20_3_2	[MZ] CLL ( <i>TP53</i> )	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> . program lekowy - Ibrutynib	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sanger.	1250
		LGK_20_3_3	[MZ] Chimeryzm (PRE, dawca)	Analiza profilu DNA dawcy. program NFZ	Analiza profilu DNA dawcy wymagana w celu oznaczenia chimeryzmu poprzaszczepowego zgodnie z procedurą LGK_20_3_5 (zestaw PowerPlex 16 HS System).	520
		LGK_20_3_4	[MZ] Chimeryzm (PRE, biorca)	Analiza profilu DNA biorcy. program NFZ	Analiza profilu DNA biorcy wymagana w celu oznaczenia chimeryzmu poprzaszczepowego zgodnie z procedurą LGK_20_3_5 (zestaw PowerPlex 16 HS System).	520
		LGK_20_3_5	[MZ] Chimeryzm (POST)	Analiza chimeryzmu poprzaszczepowego. program NFZ	Oznaczanie chimeryzmu poprzaszczepowego przy użyciu zestawu PowerPlex 16 HS System. Analiza chimeryzmu wykonywana na podstawie analizy wyników uzyskanych w procedurze LGK_20_3_3, LGK_20_3_4 oraz LGK_20_3_5.	520
		LGK_20_3_6	[MZ] CLL ( <i>TP53</i> ) NGS	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> (NGS). program lekowy - Ibrutynib	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania NGS.	1250

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
ONKOGENETYKA	guzy lite	LGK_40_1_1	[NFZ] Guzy lite (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
		LGK_40_2_1	[NFZ] Glejak, FFPE (1p/19q)	Analiza kodekcji 1p / 19q metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu dwóch sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
		LGK_40_2_2	[NFZ] Neuroblastoma (MYCN)	Analiza amplifikacji MYCN (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
		LGK_40_2_3	[NFZ] Neuroblastoma, FFPE (MYCN)	Analiza amplifikacji MYCN (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560
		LGK_40_2_4	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (ALK)	Analiza rearanżacji genu ALK (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_40_2_5	[NFZ] Myxoid/round cell liposarcoma, FFPE (DDIT3)	Analiza rearanżacji genu DDIT3 (CHOP) (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_2_6	[NFZ] PNET, FFPE (EWSR1)	Analiza rearanżacji genu EWSR1 (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_2_7	[NFZ] Rak piersi, rak żołądka, FFPE (HER2)	Analiza amplifikacji ERBB2 (HER2) (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740
		LGK_40_2_8	[NFZ] Synovial sarcoma, FFPE (SYT)	Analiza rearanżacji genu SS18 (SYT) (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_2_9	Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (MET)	Analiza amplifikacji genu MET (7q31) metodą FISH. <b>TATTON</b>	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_40_3_1	[NFZ] Czerniak złośliwy, rak jelita grubego (BRAF)	Analiza wariantu w kodonie V600 genu BRAF.	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu BRAF <u>w DNA komórek nowotworowych</u> metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu BRAF obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580
		LGK_40_3_2	[NFZ] GIST (KIT, PDGFRA)	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu KIT oraz PDGFRA .	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu KIT oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu PDGFRA <u>w DNA komórek nowotworowych</u> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	615
		LGK_40_3_3	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca (EGFR)	Analiza najczęstszych wariantów genu EGFR .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu EGFR <u>w DNA komórek nowotworowych</u> metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu EGFR.	750
		LGK_40_3_4	[MZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA (EGFR)	Analiza najczęstszych wariantów genu EGFR (ctDNA). <b>program lekowy - Ozymertynib EORTC 1613 - APPLE</b>	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu EGFR <u>w ctDNA</u> metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu EGFR.	1500

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
ONKOGENETYKA	guzy lite	LGK_40_3_5	[NFZ] Neuroblastoma ( <i>ALK</i> )	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>ALK</i> .	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu <i>ALK</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu <i>ALK</i> obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540
		LGK_40_3_6	[NFZ] Rak jelita grubego ( <i>KRAS, NRAS</i> )	Analiza najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530
Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)
ONKOGENETYKA zarządzenie nr 129/2016/DSOZ Prezesa NFZ	hematologia	LGK_30_1_1	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560
		LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	495
		LGK_30_2_4	Chłoniaki niezłośliwe, FFPE ( <i>IGH/MYC</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genów <i>IGH/MYC</i> , t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_30_2_5	Chłoniaki niezłośliwe, FFPE ( <i>MYC, BCL2, BCL6</i> )	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genów <i>MYC</i> (8q24), <i>BCL2</i> (18q21), <i>BCL6</i> (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
		LGK_30_2_6	Chłoniaki niezłośliwe, FFPE ( <i>MYC</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genu <i>MYC</i> (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_30_1_1 plus 1x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 1 sondy specyficznej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 1 sondy specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1055
		LGK_30_1_1 plus 2x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1550
		2x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	990
		3x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1485
		LGK_30_1_1 plus 3x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2045



Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
hematologia	LGK_30_1_1 plus 4x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2540	
	4x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1980	
	5x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 5 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 5 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2475	
	6x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 6 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 6 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2970	
	LGK_30_2_7	<b>MM (FISH)</b>	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem 2 sond specyficznych z panelu MM.	Analiza wybranych locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium*, zgodnie ze schematem diagnostycznym.** Materiał analityczny: szpik kostny.	1300	
	LGK_30_2_8	<b>MM (FISH)</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem 5 sond specyficznych z panelu MM.	Analiza wybranych locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 5 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium*, zgodnie ze schematem diagnostycznym.** Materiał analityczny: szpik kostny.	2250	
	LGK_30_3_2	<b>CLL (TP53)</b>	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> .	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1250	
	LGK_30_3_6	<b>CLL (TP53) NGS</b>	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> (NGS).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania NGS.	1250	
	guzy lite	LGK_50_1_1	<b>Guzy lite (kariotyp)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
		LGK_50_2_1	<b>Glejak, FFPE (1p/19q)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kodelekcji 1p/19q metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu dwóch sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
		LGK_50_2_2	<b>Neuroblastoma (MYCN)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
		LGK_50_2_3	<b>Neuroblastoma, FFPE (MYCN)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560
		LGK_50_2_4	<b>Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (ALK)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genu <i>ALK</i> (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_50_2_5	<b>Myxoid/round cell liposarcoma, FFPE (DDIT3)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji <i>DDIT3</i> ( <i>CHOP</i> ) (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zewnętrzna (zł)	
ONKOGENETYKA zarządzenie nr 129/2016/DSOZ Prezesa NFZ	guzy łgic	LGK_50_2_6	<i>PNET, FFPE (EWSR1)</i>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji <i>EWSR1</i> (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_50_2_7	Rak piersi, rak żołądka, FFPE ( <i>HER2</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>ERBB2 (HER2)</i> (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740
		LGK_50_2_8	<i>Synovial sarcoma, FFPE (SYT)</i>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji <i>SS18 (SYT)</i> (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_50_2_9	Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE ( <i>MET</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji genu <i>ME T</i> (7q31) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_50_3_1	Czerniak złośliwy, rak jelita grubego ( <i>BRAF</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza wariantu w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> .	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>BRAF</i> obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580
		LGK_50_3_2	GIST ( <i>KIT, PDGFRA</i> )	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>KIT</i> oraz <i>PDGFRA</i> .	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu <i>KIT</i> oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu <i>PDGFRA</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	615
		LGK_50_3_3	Niedrobnokomórkowy rak płuca ( <i>EGFR</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	750
		LGK_50_3_4	Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA ( <i>EGFR</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> (ctDNA).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w ctDNA metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	1500
		LGK_50_3_5	Neuroblastoma ( <i>ALK</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>ALK</i> .	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu <i>ALK</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu <i>ALK</i> obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540
		LGK_50_3_6	Rak jelita grubego ( <i>KRAS, NRAS</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530
		LGK_50_3_7	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, germinalne)	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty germinalne).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_50_3_8	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, somatyczne)	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty somatyczne).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> w DNA komórek nowotworowych techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję somatycznych wariantów punktowych.	2300

\* lista sond do techniki FISH dostępna w LGK

\*\* schematy diagnostyczne dostępne w LGK

RT - temperatura pokojowa (ang. *room temperature*)

NGS - sekwencjonowanie następnej generacji (ang. *next generation sequencing*)

ctDNA - krążące DNA nowotworowe (ang. *circulating tumour DNA*)

cfDNA - krążące DNA (ang. *cell-free DNA*)