

# Laboratorium Genetyki Klinicznej

## wykaz badań

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
BADANIA PRENATALNE	badania biochemiczne	LGK_1_1_1	[NFZ] beta-HCG	Oznaczenie poziomu wolnej beta-HCG.	Oznaczenie poziomu wolnej beta-HCG w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	79
		LGK_1_1_2	[NFZ] PAPP-A	Oznaczenie poziomu białka PAPP-A.	Oznaczenie poziomu białka PAPP-A w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	95
	badania cytogenetyczne	LGK_1_2_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi płodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	329
		LGK_1_2_2	[NFZ] Kariotyp - amniocyty	Analiza kariotypu amniocytów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> amniocytów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	670
		LGK_1_2_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej lub amniocytów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	470
Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	329
		LGK_2_1_2	[NFZ] Kariotyp - fibroblasty	Analiza kariotypu fibroblastów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> fibroblastów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	690
		LGK_2_1_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej lub fibroblastów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	470
		LGK_2_1_4	[NFZ] Kariotyp - aCGH	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej - badanie aCGH.	Analiza kariotypu z zastosowaniem techniki aCGH (porównawcza hybrydyzacja genomowa do mikromacierzy), rozdzielczość 60K.	1300

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_2_1	[NFZ] Achondroplazja ( <i>FGFR3</i> )	Achondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku wariantu c.1138G>A (p.Gly380Arg) genu <i>FGFR3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_2	[NFZ] Zespół Angelmana ( <i>MS-MLPA</i> )	Zespół Angelmana (OMIM #105830).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_3	[NFZ] Hipochoondroplazja ( <i>FGFR3</i> )	Hipochoondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>FGFR3</i> (p.Ile538; p.Asn540; p.Lys650) przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_4	[MZ] Stwardnienie guzowate ( <i>TSC1, TSC2</i> )	Stwardnienie guzowate (OMIM *605284, *191092). program lekowy - Eworolimus	Analiza sekwencji kodującej genów <i>TSC1</i> i <i>TSC2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera wraz z analizą liczby kopii DNA metodą MLPA (P124 i P046, MRC-Holland).	4950
		LGK_2_2_5	[NFZ] Zespół łamliwego chromosomu X (powtórzenia CGG)	Zespół łamliwego chromosomu X (FXS) (OMIM #300624).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmplideX <i>FMR1</i> PCR, CE-IVD).	695
		LGK_2_2_6	[NFZ] Zespół Leopard ( <i>PTPN11, RAF1</i> )	Zespół Leopard (OMIM #151100).	Analiza sekwencji eksonów 7, 12 i 13 genu <i>PTPN11</i> oraz eksonów 6, 13 i 16 genu <i>RAF1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
		LGK_2_2_7	[NFZ] Zespół Noonan ( <i>PTPN11</i> )	Zespół Noonan (OMIM *176876).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>PTPN11</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1500
		LGK_2_2_8	[NFZ] Zespół Pradera-Williego ( <i>MS-MLPA</i> )	Zespół Pradera-Williego (OMIM #176270).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_9	[NFZ] Zespół Retta ( <i>MECP2</i> )	Zespół Retta (OMIM *300005).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MECP2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_2_2_10	[NFZ] Zespół Retta, congenital variant ( <i>FOXP1</i> )	Zespół Retta, congenital variant (OMIM *164874).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXP1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia płodności	LGK_3_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	379
		LGK_3_2_2	[NFZ] Przedwczesne wygasanie czynności jajników (powtórzenia CGG)	Przedwczesne wygasanie czynności jajników (FXPOF) (OMIM #311360).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliX <i>FMR1</i> PCR, CE-IVD).	695
		LGK_3_2_3	[NFZ] Zespół BPES ( <i>FOXL2</i> )	Zespół BPES (OMIM *605597).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXL2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580
	zaburzenia metabolizmu	LGK_5_1	[NFZ] Amyloidoza transtyretynowa ( <i>TTR</i> )	Amyloidoza transtyretynowa (OMIM *176300).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TTR</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_5_2	[NFZ] Deficyt alfa1-antytrypsyny ( <i>SERPINA1</i> )	Deficyt alfa1-antytrypsyny (OMIM *107400).	Analiza w kierunku wariantów p.Glu366Lys (allel Z) oraz p.Glu288Val (allel S) genu <i>SERPINA1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
		LGK_5_3	[NFZ] Deficyt MCAD ( <i>ACADM</i> )	Deficyt dehydrogenazy acylo-CoA średniołańcuchowych kwasów tłuszczowych - MCAD (OMIM *607008).	Analiza w kierunku wariantu p.Lys304Glu genu <i>ACADM</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_4	[NFZ] Deficyt LCHAD ( <i>HADHA</i> )	Deficyt dehydrogenazy długołańcuchowych kwasów tłuszczowych - LCHAD (OMIM *600890).	Analiza w kierunku wariantu p.Glu510Gln genu <i>HADHA</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_5	[NFZ] Gorączka śródziemnomorska ( <i>MEFV</i> )	Gorączka śródziemnomorska (OMIM *608107).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MEFV</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	nowotwory rodzinne i zespoły związane z nowotworami	LGK_6_1	[NFZ] Zespół Legius ( <i>SPRED1</i> )	Zespół Legiusa (OMIM *609291).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SPRED1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1300
		LGK_6_2	[NFZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika ( <i>BRCA1</i> )	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>BRCA1</i> (c.68_69delAG, c.181T>G, c.3700_3704delGTAAA, c.4035delA, c.5266dupC) w polskiej populacji techniką HRM i weryfikowaną sekwencjonowaniem bezpośrednim metodą Sangera.	320
		LGK_6_3	[MZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (NGS)	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł I)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_4	[NFZ] Zespół Li-Fraumeni ( <i>TP53</i> )	Zespół Li-Fraumeni (OMIM *191170).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1250

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
GENETYKA KONSTITUCYJNA	nowotwory rodzinne i zespoły związane z nowotworami	LGK_6_5	[MZ] Rodzinne występujący rak piersi i/lub jajnika (CHEK2, PALB2)	Rodzinne występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł I)	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>CHEK2</i> oraz <i>PALB2</i> w polskiej populacji techniką HRM i weryfikowaną sekwencjonowaniem bezpośrednim metodą Sangera. Badany region obejmuje trzy wybrane warianty genu <i>CHEK2</i> : c.444+1G>A, c.1100delC, delecję eksonów 9 i 10 (del5395) oraz dwa wybrane warianty genu <i>PALB2</i> : c.172_175delTTGT, c.509_510delIGA.	350
		LGK_6_6	[MZ] FAP (APC, MUTYH)	Zespół gruczolakowatej polipowatości rodzinnej (OMIM #175100, #608456). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>APC</i> i <i>MUTYH</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom) oraz techniką MLPA. Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_7	[MZ] HNPCC (MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, EPCAM)	Dziedziczny rak jelita grubego niezwiązany z polipowatością (HNPCC) (OMIM #609310, #120435, #614350, #614337, #613244). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> , <i>PMS2</i> i 3'UTR <i>EPCAM</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom) oraz techniką MLPA. Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_8	[MZ] Zespół Peutza Jeghersa (STK11)	Zespół Peutza Jeghersa (OMIM #175200). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>STK11</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	950
		LGK_6_9	[MZ] Zespół polipowatości młodzieńczej (BMPR1A, SMAD4)	Zespół polipowatości młodzieńczej (OMIM #174900). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł II)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>BMPR1A</i> , <i>SMAD4</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1850
		LGK_6_10	[MZ] Retinoblastoma (RB1)	Dziedziczny siatkówczak (OMIM #180200). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł III)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>RB1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera oraz MLPA.	2300
		LGK_6_11	[MZ] Zespół von Hippel-Lindau (VHL)	Zespół von Hippel-Lindau (OMIM #193300). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł III)	Analiza sekwencji kodującej genu <i>VHL</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera oraz MLPA.	750
	neurogenetyka	LGK_7_1	[NFZ] Dystrofia obręczowo - kończynowa ( <i>CAPN3</i> )	Dystrofia obręczowo - kończynowa, LGMD2A (OMIM *114240).	Analiza w kierunku wariantu c.550delA (p.Thr184Argfs) genu <i>CAPN3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_7_2	[NFZ] Łagodna płasawica rodzinna ( <i>NKX2-1</i> )	Łagodna płasawica rodzinna (OMIM *60635).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NKX2-1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580
		LGK_7_3	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 4 ( <i>SPAST</i> )	Spastyczna paraplegia typ 4 (OMIM *604277).	Analiza sekwencji eksonów 1, 6-7, 8, 10-12 genu <i>SPAST</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_7_4	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 17 ( <i>BSCL2</i> )	Spastyczna paraplegia typ 17 (OMIM *606158).	Analiza sekwencji eksonu 3 genu <i>BSCL2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
LGK_7_6		[NFZ] Stwardnienie zanikowe boczne ( <i>SOD1</i> )	Stwardnienie zanikowe boczne (SLA) (OMIM *147450).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SOD1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770	

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	neurogenetyka	LGK_7_7	[NFZ] Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (powtórzenia CGG)	Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (FXTAS)(OMIM #300623).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliX FMR1 PCR, CE-IVD).	695
		LGK_7_8	[NFZ] Zespół CADASIL ( <i>NOTCH3</i> )	Zespół CADASIL (OMIM *600276).	Analiza sekwencji eksonów 2-6 genu <i>NOTCH3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
	kardiologia	LGK_9_1	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna ( <i>LDLR, APOB</i> )	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890).	Analiza dużych rearanżacji techniką MLPA (zestaw P062, MRC-Holland) i analiza sekwencji eksonów 4 i 12 genu <i>LDLR</i> oraz fragmentu eksonu 26 (NM_000384.2: c.10436_10798) genu <i>APOB</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	900
		LGK_9_2	[MZ] Hipercholesterolemia rodzinna (NGS)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Krajowe Centrum Hipercholesterolemii Rodzinnej	Analiza sekwencji kodującej genów <i>LDLR</i> (wraz z dużymi rearanżacjami), <i>PCSK9</i> , <i>APOE</i> oraz fragmentu eksonu 26 genu <i>APOB</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw ADH MASTR, Multiplicom).	2250
		LGK_9_3	[NFZ] Hiperlipidemia typu III ( <i>APOE</i> )	Hiperlipidemia typu III (OMIM *107741).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>APOE</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_9_4	[NFZ] Pierwotne zaburzenia czynności elektrycznej serca (NGS)	Pierwotne zaburzenia czynności elektrycznej serca.	Analiza sekwencji 51 genów techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw PED MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych.	3000
	nefrologia	LGK_10_1	[NFZ] Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku ( <i>INF2, LMX1B</i> )	Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku (OMIM #613237).	Analiza sekwencji eksonów 2-4 genu <i>INF2</i> oraz eksonu 4 genu <i>LMX1B</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	790
		LGK_10_2	[NFZ] Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera ( <i>WT1</i> )	Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera (OMIM *607102).	Analiza sekwencji eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
		LGK_10_3	[NFZ] Zespół nerczycowy ( <i>NPHS2, WT1</i> )	Zespół nerczycowy (OMIM #600995, #256370).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NPHS2</i> oraz eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	ortopedia	LGK_11_1	[NFZ] Zespół Hajdu-Cheney ( <i>NOTCH2</i> )	Zespół Hajdu-Cheney (OMIM *600275).	Analiza sekwencji eksonu 34 genu <i>NOTCH2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
GENETYKA MOLEKULARNA	izolacja kwasów nukleinowych i analiza kosegregacji	LGK_14_2	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna (krewni)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Analiza wariantu występującego w rodzinie.	W zależności od rodzaju wariantu badanie wykonywane jest techniką MLPA lub przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	360
		LGK_14_3	[NFZ] Wariant (Sanger)	Analiza wariantu punktowego występującego w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	370
		LGK_14_4	[NFZ] Wariant (MLPA)	Analiza dużej delecji/duplikacji występującej w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu techniki MLPA (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	860
		LGK_14_5	[NFZ] Wariant (po uzgodnieniu)	Analiza sekwencji wybranych <i>loci</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	Badanie wykonywane po uzgodnieniu szczegółów z Laboratorium Genetyki Klinicznej UCK. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	780
		LGK_14_1	Izolacja DNA (krew, szpik)	Izolacja gDNA z krwi obwodowej lub szpiku.	Izolacja genomowego DNA z krwi obwodowej lub szpiku.	150
		LGK_14_6	Izolacja DNA (FFPE)	Izolacja gDNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	Izolacja genomowego DNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	150
		LGK_14_7	Izolacja DNA (amniocyty)	Izolacja gDNA amniocytów.	Izolacja genomowego DNA z amniocytów.	150
		LGK_14_8	Izolacja ctDNA/cfDNA (krew)	Izolacja ctDNA lub cfDNA z krwi obwodowej.	Izolacja krążącego ctDNA ( <i>cell-free circulating tumor DNA</i> ) lub cfDNA ( <i>cell-free circulating fetusDNA</i> ) z krwi obwodowej.	300

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
ONKOGENETYKA	hematologia	LGK_20_1_1	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560
		LGK_20_2_2	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (chimeryzm)	Ocena chimeryzmu poprzeczkowego metodą FISH.	Analiza obecności sekwencji centromerowych chromosomów X i Y w ocenie chimeryzmu poprzeczkowego metodą FISH.	520
		LGK_20_2_3	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	520
		LGK_20_2_4	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>IGH/MYC</i> )	Analiza rearanżacji genów <i>IGH/MYC</i> , t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_20_2_5	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC, BCL2, BCL6</i> )	Analiza rearanżacji genów <i>MYC</i> (8q24), <i>BCL2</i> (18q21), <i>BCL6</i> (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
		LGK_20_2_6	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC</i> )	Analiza rearanżacji genu <i>MYC</i> (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
		LGK_20_3_1	[NFZ] Mastocytoza ( <i>KIT</i> )	Analiza wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> .	Analiza w kierunku wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> metodą RT-PCR.	490
		LGK_20_3_2	[MZ] CLL ( <i>TP53</i> )	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> . program lekowy - Ibrutinib	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sanger.	1250
	guzy lite	LGK_40_1_1	[NFZ] Guzy lite (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
		LGK_40_2_1	[NFZ] Glejak, FFPE (1p/19q)	Analiza kodelecji 1p / 19q metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu dwóch sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
		LGK_40_2_2	[NFZ] Neuroblastoma ( <i>MYCN</i> )	Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
		LGK_40_2_3	[NFZ] Neuroblastoma, FFPE ( <i>MYCN</i> )	Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)	
ONKOGENETYKA	guzy lite	LGK_40_2_4	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (ALK)	Analiza rearanżacji genu ALK (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_40_2_5	[NFZ] Myxoid/round cell liposarcoma, FFPE (DDIT3)	Analiza rearanżacji genu DDIT3 (CHOP) (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_2_6	[NFZ] PNET, FFPE (EWSR1)	Analiza rearanżacji genu EWSR1 (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_2_7	[NFZ] Rak piersi, rak żołądka, FFPE (HER2)	Analiza amplifikacji ERBB2 (HER2) (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740
		LGK_40_2_8	[NFZ] Synovial sarcoma, FFPE (SYT)	Analiza rearanżacji genu SS18 (SYT) (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_40_3_1	[NFZ] Czerniak złośliwy, rak jelita grubego (BRAF)	Analiza wariantu w kodonie V600 genu BRAF.	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu BRAF w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu BRAF obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580
		LGK_40_3_2	[NFZ] GIST (KIT, PDGFRA)	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu KIT oraz PDGFRA.	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu KIT oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu PDGFRA w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	615
		LGK_40_3_3	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca (EGFR)	Analiza najczęstszych wariantów genu EGFR.	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu EGFR w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu EGFR.	750
		LGK_40_3_4	[MZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA (EGFR)	Analiza najczęstszych wariantów genu EGFR (ctDNA). program lekowy - Ozymertynib EORTC 1613 - APPLE	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu EGFR w ctDNA metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu EGFR.	1500
		LGK_40_3_5	[NFZ] Neuroblastoma (ALK)	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu ALK.	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu ALK w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu ALK obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540
		LGK_40_3_6	[NFZ] Rak jelita grubego (KRAS, NRAS)	Analiza najczęstszych wariantów genów KRAS i NRAS.	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów KRAS i NRAS w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genów KRAS i NRAS obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530



## ONKOGENETYKA - zarządzanie NFZ

## hematologia

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
	LGK_30_1_1	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560
	LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	520
	LGK_30_2_4	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>IGH/MYC</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genów <i>IGH/MYC</i> , t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
	LGK_30_2_5	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC, BCL2, BCL6</i> )	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genów <i>MYC</i> (8q24), <i>BCL2</i> (18q21), <i>BCL6</i> (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
	LGK_30_2_6	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE ( <i>MYC</i> )	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genu <i>MYC</i> (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
	LGK_30_1_1 plus 1x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 1 sondy specyficznej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 1 sondy specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1080
	LGK_30_1_1 plus 2x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1400
	2x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1040
	3x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1300
	LGK_30_1_1 plus 3x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2050
	LGK_30_1_1 plus 4x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2250
	4x LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1990

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)
ONKOGENETYKA - zarządzenie NFZ	hematologia	5x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 5 sond specyficznych.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 5 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2210
		6x LGK_30_2_3	<b>Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego</b>	<b>Zaawansowane badanie genetyczne</b> Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 6 sond specyficznych.	Analiza wybranych <i>loci</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 6 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2650
		LGK_30_3_2	<b>CLL (TP53)</b>	<b>Złożone badanie genetyczne</b> Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> .	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sanger'a.	1250
	guzy lite	LGK_50_1_1	<b>Guzy lite (kariotyp)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
		LGK_50_2_1	<b>Glejak, FFPE (1p/19q)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza kodelecji 1p/19q metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
		LGK_50_2_2	<b>Neuroblastoma (MYCN)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
		LGK_50_2_3	<b>Neuroblastoma, FFPE (MYCN)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560
		LGK_50_2_4	<b>Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (ALK)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji genu <i>ALK</i> (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
		LGK_50_2_5	<b>Myxoid/round cell liposarcoma, FFPE (DDIT3)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji <i>DDIT3 (CHOP)</i> (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_50_2_6	<b>PNET, FFPE (EWSR1)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza rearanżacji <i>EWSR1</i> (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
		LGK_50_2_7	<b>Rak piersi, rak żółtąka, FFPE (HER2)</b>	<b>Podstawowe badanie genetyczne</b> Analiza amplifikacji <i>ERBB2 (HER2)</i> (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Koszt jednostkowy ZEW (zł)		
	LGK_50_2_8	Synovial sarcoma, FFPE (SYT)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji SS18 (SYT) (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595		
ONKOGENETYKA - zarządzanie NFZ	guzy lite	LGK_50_3_1	Czerniak złośliwy, rak jelita grubego (BRAF)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza wariantu w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> .	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>BRAF</i> obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580	
		LGK_50_3_2	GIST (KIT, PDGFRA)	Złożone badanie genetyczne Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>KIT</i> oraz <i>PDGFRA</i> .	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu <i>KIT</i> oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu <i>PDGFRA</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	615	
		LGK_50_3_3	Niedrobnokomórkowy rak płuca (EGFR)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	750	
		LGK_50_3_4	Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA (EGFR)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> (ctDNA).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w ctDNA metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	1500	
		LGK_50_3_5	Neuroblastoma (ALK)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>ALK</i> .	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu <i>ALK</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu <i>ALK</i> obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540	
		LGK_50_3_6	Rak jelita grubego (KRAS, NRAS)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530	
		LGK_50_3_7	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, germinalne)	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty germinalne).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_50_3_8	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, somatyczne)	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty somatyczne).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> w DNA komórek nowotworowych techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję somatycznych wariantów punktowych.	2300	

\* lista sond do techniki FISH dostępna w LGK